

Abteilung für Neuropathologie und Neurochemie
 [Obersteiner Institut]

Abteilungsleiterin: Univ. Prof. Dr. Romana Höftberger

 Medizinischer Universitätscampus Wien - Ebene 4J, Währinger Gürtel 18 – 20, A-1090 Wien, Österreich
 www.meduniwien.ac.at/npc DVR: 0797154
Begleitschein für neuromolekularpathologische Analysen

Stand: 2024 02 01

FAMILIENNAME, Vorname: (alternativ bitte Patientenetikette aufkleben)		EINSENDER (Stempel):	
Geburtsdatum:	<input type="checkbox"/> weiblich <input type="checkbox"/> männlich	Material: <ul style="list-style-type: none"> ▪ Paraffinmaterial (Block) ▪ 10 - 20 mL EDTA-Blut (außer für Immunoblot-Analyse) ▪ Versand bei Raumtemperatur! 	
Adresse:	Aufnahmezahl:		
Kostenträger: <input type="checkbox"/> Stat. Allg. Kl. <input type="checkbox"/> Amb. <input type="checkbox"/> Stat. Sonderkl. <input type="checkbox"/> Selbstz. <input type="checkbox"/> Forschung		Abnahmedatum:	
Krankenkasse / SVA-Nr.:			
Achtung: Die Untersuchung aus Blutproben darf nur durchgeführt werden, wenn die Einwilligungserklärung des Patienten vorliegt! Das Formular kann von der Homepage (https://neurologie.meduniwien.ac.at/unsere-abteilungen/abteilung-fuer-neuropathologie-und-neurochemie-npnc/) als PDF heruntergeladen werden.			

Informationen zur Diagnostik

Verdachtsdiagnose/Symptome:	Indexpatient bekannt: <input type="checkbox"/> ja <input type="checkbox"/> nein
	Verwandtschaftsverhältnis: _____
	Falls Mutation bekannt: _____ Gen _____ Mutation

Neuroonkologische Erkrankungen

Analytik des SMARCB1-Gens
 SMARCB1
 LOH-SMARCB1 MLPA

Analytik des SUFU-Gens
 SUFU

Einfache molekulare Analyse des Medulloblastom-SHH Subtyps
 SMO
 SUFU
 TP53

Einfache molekulare Analyse des Medulloblastom-WNT Subtyps
 CTNNB1 (Exon 3)

Einfache molekulare Analyse von Gliomen/Meningeomen mittels Pyrosequenzierung
 TERT-Promotor (C228T, C250T)

MGMT Promotormethylierungsstatus mittels Pyrosequenzierung
 MGMT

Mittelgradig aufwändige molekulare Analyse bei Neurinomen/Schwannomen
 LZTR1
 NF2
 SMARCB1

Panelsequenzierung TSO500
 TSO500 (DNA und RNA)

Panelsequenzierung Archer Fusionplex
 Archer Fusionplex (RNA)

Mittelgradig aufwändige molekulare Analyse des Medulloblastom-SHH Subtyps

-
- PTCH1b
-
-
- SMO
-
-
- SUFU
-
-
- TP53

Mittelgradig aufwändige molekulare Analyse des Meningeoms

-
- AKT1 (Exon 2)
-
-
- KLF4 (Exon 4)
-
-
- SMO (Exon 6)
-
-
- TERT-Promotor (C228T, C250T)
-
-
- LOH-CDKN2A/B MLPA
-
-
- LOH-1p19q MLPA

Molekulare Analyse des Glioblastoms

-
- IDH1 (Codon 132)
-
-
- IDH2 (Codon 172)
-
-
- TERT-Promotor (C228T, C250T)

Molekulare Analyse diffuser Gliome

-
- IDH1 (Codon 132)
-
-
- IDH2 (Codon 172)
-
-
- TERT-Promotor (C228T, C250T)
-
-
- LOH-CDKN2A/B MLPA
-
-
- LOH-1p19q MLPA
-
-
- BRAF (V600E)
-
-
- H3F3A (Exon 2)
-
-
- HIST1H3B (Exon 1)
-
-
- DICER (Exon 24 & 25)

Methylierungsmuster bei Hirntumoren

-
- EPIC Bead Chip Array

Weitere Erkrankungen
Amyotrophe Lateralsklerose (ALS)

-
- SOD1
-
-
- TARDBP
-
-
- FUS

Frontotemporale Demenz ± ALS

-
- MAPT
-
-
- GRN
-
-
- TARDBP
-
-
- FUS

Alzheimer-Demenz

-
- APP (Exon 16 & 17)
-
-
- PSEN1
-
-
- PSEN2

Genetisch bedingte CJK

-
- PRNP

Molekulare Analyse des Lymphoms

-
- CD79B
-
-
- MYD88

Muskeldystrophien

-
- Dystrophinprotein (Immunoblot)
-
-
- Dystrophin-assoziierte Proteine (Immunoblot)

Epilepsie - MOGHE

-
- SLC35A2

Datum,	Unterschrift des Anforderers,	Name in BLOCKSCHRIFT	Telefonnummer für evtl. Rückfragen